

В диссертационный совет ПДС 0300.025  
 Федеральное государственное автономное образовательное учреждение  
 высшего образования «Российский университет дружбы народов имени Патриса Лумумбы»

**СВЕДЕНИЯ ОБ ОФИЦИАЛЬНОМ ОПОНЕНТЕ**  
 по диссертации **Неруха Дмитрия Александровича**

«Сложная динамика больших биомолекулярных систем в водных растворах», представленной на соискание ученой степени  
 доктора биологических наук по специальностям 1.5.4. Биохимия и 1.5.8. Математическая биология, биоинформатика

Фамилия, Имя, Отчество	2	3	4	5	6	7
Основные сведения	Год рождения	Основное место работы, должность	Ученая степень, звание	Специальность, по которой была защищена диссертация	Основные работы в рецензируемых научных изданиях за последние 5 лет по тематике оппонируемой диссертации	
<b>Лисица Андрей Валерьевич</b>	1978	Заведующий лабораторией биохимии и химической патологии белков ФГБНУ «Научно-исследовательский институт биомедицинской химии имени В.Н. Ореховича» (ИБМХ)	Академик РАН, доктор биологических наук	03.00.28 - биоинформатика	<p>1. Khmeleva S.A., Suprun E.V., Vasileva Yu.A., Pritsyn K.G., Kurbatov L.K., Shershov V.E., Kuznetsova V.E., Chudinov A.V., Radko S.P., Lisitsa A.V. Effect of poly(da)stretch in a template sequence on the rate and yield of polymerase chain reaction with electroactive modified 2'-deoxyuridine-5'-triphosphates. <i>Microchemical Journal</i>. 2024, 207, 111970. doi: 10.1016/j.microc.2024.111970</p> <p>2. Ponomarenko E.A., Ivanov Yu.D., Valueva A.A., Pleshakova T.O., Zgoda V.G., Vavilov N.E., Ilgisonis E.V., Lisitsa A.V., Archakov A.I. From proteomics to the analysis of single protein molecules. <i>International Journal of Molecular Sciences</i>. 2024, 25(19): 10308. doi: 10.3390/ijms251910308</p> <p>3. Sarygina E., Kozlova A., Deinichenko K., Radko S., Pritsyn K., Khmeleva S., Kurbatov L.K., Spirin P., Prassolov V.S., Ilgisonis E., Lisitsa A., Ponomarenko E. Principal component analysis of alternative splicing profiles revealed by long-read ont sequencing in human liver</p>	

				<p>tissue and hepatocyte-derived HEPG2 and HUH7 cell lines. International Journal of Molecular Sciences. 2023, 24(21): 15502. doi: 10.3390/ijms242115502</p> <p>4. Vavilov N.E., Ilgisonis E.V., Lisitsa A.V., Ponomarenko E.A., Farafonova T.E., Tikhonova O.V., Zgoda V.G., Archakov A.I. Deep proteomic dataset of human liver samples obtained by two-dimensional sample fractionation coupled with tandem mass spectrometry. Data in Brief, 2022, 42, 108055. doi: 10.1016/j.dib.2022.108055</p> <p>5. Kozlova A., Shkrigunov T., Gusev S., Guseva M., Ponomarenko E., Lisitsa A. An open-source pipeline for processing direct infusion direct mass spectrometry data of the human plasma metabolome. Metabolites. 2022, 12(8): 768. doi: 10.3390/metabo12080768</p>
--	--	--	--	--

Согласен на обработку персональных данных.

Официальный оппонент,  
 Академик РАН,  
 доктор биологических наук  
 Лисица Андрей Валерьевич

Подпись д.б.н. Лисицы Андрея Валерьевича удостоверяю:

Учёный секретарь ИБМХ имени В.Н. Ореховича  
 Карпова Елена Анатольевна



Дата: 24 апреля 2026 года